

Parte A. DATOS PERSONALES		Fecha del CVA	ENERO 2023
Nombre y apellidos	Gabriel Gutiérrez Pozo		
Núm. identificación del/de la investigador/a	WoS Researcher ID (*)	S-7646-2017	
	SCOPUS Author ID(*)	56865443700	
	Open Researcher and Contributor ID (ORCID) **	0000-0002-1354-2883	

(*) Al menos uno de los dos es obligatorio

A.1. Situación profesional actual

Organismo	Universidad de Sevilla		
Dpto./Centro	Genética		
Dirección	Facultad de Biología. U. de Sevilla. Apt. 1095. 41080 Sevilla		
Categoría profesional	Catedrático Universidad	Fecha inicio	2018
Espec. cód. UNESCO	2409		
Palabras clave	Evolución molecular-bioinformática-genética		

A.2. Formación académica (título, institución, fecha)

Licenciatura/Grado/Doctorado	Universidad	Año
Doctor Biología	Sevilla	1994

A.3. Indicadores generales de calidad de la producción científica

- Sexenios de investigación: 5.
- Tesis dirigidas: 1.
- Suma total citas: 1368.
- h-index: 22.
- Artículos totales Scopus: 57.

Parte B. RESUMEN LIBRE DEL CURRÍCULUM (máximo 3500 caracteres, incluyendo espacios en blanco)

Mi campo de estudio principal es la Evolución Molecular utilizando herramientas bioinformáticas aplicadas a la biología molecular. Tengo una larga experiencia en el análisis de datos de secuencias de ADN y proteínas, análisis masivo de datos, genómica etc. Soy experto en técnicas de reconstrucción filogenética y en general en el estudio de la evolución molecular.

Parte C. MÉRITOS MÁS RELEVANTES (últimos 5 años)

C.1. Publicaciones

Villalobo, E.; Gutiérrez, G.; Villalobo, A.
 Calmodulin in Paramecium: Focus on Genomic Data.
 Microorganisms 10, 1915.
 2022

Sanchez-Barrionuevo, Leyre; Mateos, Jesus; Fernandez-Puente, Patricia; Begines, Paloma; Fernandez-Bolanos, Jose G; Gutierrez, Gabriel; Canovas, David ; Mellado, Encarnacion.
 Identification of an acetyl esterase in the supernatant of the environmental strain Bacillus sp. HR21-6.
 BIOCHIMIE 198,48-59.
 2022

Cea-Sánchez S, Corrochano-Luque M, Gutiérrez G, Glass NL, Cánovas D, Corrochano LM.



Transcriptional Regulation by the Velvet Protein VE-1 during Asexual Development in the Fungus *Neurospora crassa*. *mBio* 13,4.
2022

Escobar-Niño, Almudena and Sánchez-Barrionuevo, Leyre and Torres-Torres, José Miguel and Clemente, Rafael and Gutiérrez, Gabriel and Mellado, Encarnación and Cánovas, David
An *arsRB* resistance operon confers tolerance to arsenite in the environmental isolate *Terribacillus* sp. AE2B 122
FEMS MICROBIOLOGY ECOLOGY
2021

Díez-Hermano, Sergio and Ganfornina, Maria D. and Skerra, Arne and Gutiérrez, Gabriel and Sánchez, Diego
An evolutionary perspective of the lipocalin protein family
FRONTIERS IN PHYSIOLOGY
2021

Prados-Carvajal, Rosario and Rodríguez-Real, Guillermo and Gutiérrez-Pozo, Gabriel and Huertas, Pablo
CtIP -mediated alternative mRNA splicing finetunes the DNA damage response
RNA-A PUBLICATION OF THE RNA SOCIETY
2021

Pardo-Medina, Javier and Gutiérrez, Gabriel and Limón, M. Carmen and Ávalos, Javier
Impact of the White Collar Photoreceptor *WcoA* on the *Fusarium fujikuroi* Transcriptome
FRONTIERS IN MICROBIOLOGY
2021

Pardo-Medina, Javier and Gutiérrez, Gabriel and Limón, M. Carmen and Ávalos, Javier
The *carP* lncRNA Is a *carS*-related regulatory element with broad effects on the *Fusarium fujikuroi* transcriptome
Non-Coding RNA
2021

Martín-Villanueva, Sara and Gutiérrez, Gabriel and Kressler, Dieter and Cruz, Jesús de la
Ubiquitin and ubiquitin-like proteins and domains in ribosome production and function: chance or necessity?
INTERNATIONAL JOURNAL OF MOLECULAR SCIENCES
2021

Begley, Victoria and Jordán-Pla, Antonio and Peñate, Xenia and Garrido-Godino, Ana I. and Challal, Drice and Cuevas-Bermúdez, Abel and Mitjavila, Adrià and Barucco, Mara and Gutiérrez, Gabriel and Singh, Abhyudai and Alepuz, Paula and Navarro, Francisco and Libri, Domenico and Pérez-Ortín, José E. and Chávez, Sebastián
Xrn1 influence on gene transcription results from the combination of general effects on elongating RNA pol II and gene-specific chromatin configuration
RNA BIOLOGY
2021



Parra-Rivero, Obdulia and Pardo-Medina, Javier and Gutiérrez, Gabriel and Limón, M. Carmen and Ávalos, Javier

A novel lncRNA as a positive regulator of carotenoid biosynthesis in *Fusarium*

SCIENTIFIC REPORTS

2020

Sánchez-Romero, María A. and Rodríguez Olivenza, David and Gutiérrez, Gabriel and Casadesús, Josep

Contribution of DNA adenine methylation to gene expression heterogeneity in *Salmonella enterica*

NUCLEIC ACIDS RESEARCH

2020

Diez-Hermano, Sergio and Mejias, Andres and Sanchez, Diego and Gutierrez, Gabriel and Ganfornina, Maria D.

Control of the neuroprotective Lipocalin Apolipoprotein D expression by alternative promoter regions and differentially expressed mRNA 5' UTR variants

PLOS ONE

2020

Tagua, Víctor G. and Navarro, Eusebio and Gutiérrez, Gabriel and Garre, Victoriano and Corrochano, Luis M.

Light regulates a *Phycomyces blakesleeanus* gene family similar to the carotenogenic repressor gene of *Mucor circinelloides*

FUNGAL BIOLOGY

2020

Navarro, Eusebio and Niemann, Nils and Kock, Dennis and Dadaeva, Tamila and Gutiérrez, Gabriel and Engelsdorf, Timo and Kiontke, Stephan and Corrochano, Luis M. and Batschauer, Alfred and Garre, Victoriano

The DASH-type Cryptochrome from the Fungus *Mucor circinelloides* Is a Canonical CPD-Photolyase

CURRENT BIOLOGY

2020

Vallesi, Adriana and Sjödin, Andreas and Petrelli, Dezemona and Luporini, Pierangelo and Taddei, Anna Rita and Thelaus, Johanna and Öhrman, Caroline and Nilsson, Elin and Di Giuseppe, Graziano and Gutiérrez, Gabriel and Villalobo, Eduardo

A New Species of the gamma-Proteobacterium *Francisella*, *F. adeliensis* Sp. Nov., Endocytobiont in an Antarctic Marine Ciliate and Potential Evolutionary Forerunner of Pathogenic Species

MICROBIAL ECOLOGY

2019

Mejias, Andres and Diez-Hermano, Sergio and Ganfornina, Maria D. and Gutierrez, Gabriel and Sanchez, Diego

Characterization of mammalian Lipocalin UTRs in silico: Predictions for their role in post-transcriptional regulation

PLOS ONE

2019



Álvarez-Escribano, Isidro and Sasse, Christoph and Bok, Jin Woo and Na, Hyunsoo and Amirebrahimi, Mojgan and Lipzen, Anna and Schackwitz, Wendy and Martin, Joel and Barry, Kerrie and Gutiérrez, Gabriel and Cea-Sánchez, Sara and Marcos, Ana T. and Grigoriev, Igor V. and Keller, Nancy P. and Braus, Gerhard H. and Cánovas, David
Genome sequencing of evolved aspergilli populations reveals robust genomes, transversions in *A. flavus*, and sexual aberrancy in non-homologous end-joining mutants
BMC BIOLOGY
2019

C.2. Proyectos (últimos 5 años)

Regulación transcripcional del desarrollo sexual y la fertilidad por las proteínas velvet en el hongo *Neurospora crassa* (PID2021-128001OB-I00 - Equipo de Investigación)

Nuevas estrategias basadas en la traducción para la optimización de una economía circular basada en hongos (TED2021-129601B-I00 - Equipo de Investigación)

Regulación de la transcripción por la luz: el mecanismo de la fotoadaptación en hongos (P20_00622 - Equipo de Investigación)

Regulación de la Degradación, Transporte al Núcleo y Formación de Complejos de Ve-1 Durante el Desarrollo y la Biosíntesis de Carotenoides en *Neurospora Crassa* (RTI2018-098636-B-I00 - Equipo de Investigación)

C.3. Contratos, méritos tecnológicos o de transferencia

Contrato Ramón y Cajal 2002