

CURRICULUM VITAE ABREVIADO (CVA)

Parte A. DATOS PERSONALES		Fecha del CVA	25/07/2024
Nombre	Francisco		
Apellidos	Navarro Gómez		
Sexo (*)		Fecha de nacimiento (dd/mm/yyyy)	
DNI, NIE, pasaporte			
Dirección email		URL Web	
Open Researcher and Contributor ID (ORCID) (*)			

A.1. Situación profesional actual

Puesto	Catedrático universidad		
Fecha inicio	11/1999		
Organismo/ Institución	Universidad de Jaén (UJA)		
Departamento/ Centro	Facultad Ciencias Experimentales/ Dept Biología Experimental		
País	España	Teléfono	
Palabras clave	RNA polimerasa; Transcripción; estabilidad mRNA ; prefoldina		

A.2. Situación profesional anterior (incluye interrupciones en la carrera investigadora, de acuerdo con lo indicado en la convocatoria, indicar meses totales)

Periodo	Puesto/ Institución/ País / Motivo interrupción
1997-1999	Postdoctoral/ Institut Jacques Monod-París (Francia) Postdoctoral/ CEA-Saclay- París (Francia)

A.3. Formación Académica

Grado/Master/Tesis	Universidad/Pais	Año
LICENCIADO BIOLOGÍA	SEVILLA	1991
DOCTOR EN BIOLOGÍA	SEVILLA	1996

Parte B. RESUMEN DEL CV (máx. 5.000 caracteres, incluyendo espacios):

Catedrático de Genética, UJA (2018). 6 sexenios de investigación (1 de transferencia).
60 publicaciones. 41 Q1; citas: 1034; Índice H de 22 (WOS,). Más de 100 comunicaciones a congresos internacionales y nacionales.

Inicios docente e investigador: departamento de Bioquímica Vegetal y Biología Molecular (Universidad de Sevilla, 1991). Doctor en Biología (1996), "sobresaliente cum laude" y premio de doctorado. Estancia: Instituto Botánico de Bonn (3 meses; Acción Integrada Hispano-Alemana). 1997-1999 (3 años): Postdoct 1 (Instituto Jacques Monod, Paris)- estudio de la división celular en *E. coli* (beca Ministerio de Educación y Ciencia); Postdoct 2 (SBGM, CEA-Saclay, Francia)- maquinaria de transcripción en *S. cerevisiae*, (Proyecto de la UE y beca Marie Curie); estancias investigación (4 meses).

Noviembre 1999: Profesor UJA, Área de Genética, Depart. Biología Experimental. Estancia en laboratorio de P. Thuriaux (abril-agosto 2000). 2000-2008: Investigador en análisis de la maquinaria de transcripción en eucariotas en desarrollo cardíaco y miogénesis; proyectos de Ministerio de Educación y Ciencia, Unión Europea, AFM (Francia), Junta de Andalucía y UJA. Desde 2003, IP: maquinaria de transcripción, elongación transcripcional, homeostasis de mRNAs y prefoldinas en *S. cerevisiae*. Director del grupo Transcripción y Expresión Génica en Eucariotas (BIO-258) del Plan Andaluz de Investigación.

IP: 6 proyectos coordinados desde 2003 (MEC, MICINN, MINECO), con U. Sevilla y U. Valencia (el último activo de la convocatoria 2020); IP de 2 Proyectos de Excelencia de la Junta de Andalucía FEDER-UJA. Financiación total >1.000.000 €.

IP de proyecto internacional: Acción Integrada Hispano-Francesa. Colaborador en proyectos internacionales: Unión Europea y AMF (Francia). Participación en solicitud de un proyecto Horizonte 2020.

Colaborador en proyectos de Excelencia de la Junta de Andalucía y UJA.

IP en contratos/actividades de transferencia y colaborador. Diversas actividades de divulgación.

Participante en REDES de investigación: MINECO, MICIU.

Colaboraciones internacionales activas: Francia, Suecia, Alemania, USA, India.
Organizador de Congreso internacional OddPols2023 (Jaén, mayo-junio 2023).
Formación: 6 postdoctorales (Ministerios de España, Junta Andalucía, UJA, programa Margarita Salas). Mentor de Investigador Beatriz Galindo Senior. 7 tesis doctorales: 4 con mención europea, 2 internacionales. 2 tesis en marcha. Financiación 2 FPU, 1 FP1, 1 beca Junta de Andalucía, 2 beca UJA y 1 proyecto MEC.
20 trabajos de fin de doctorado (DEA), TFM's y TFG's. Tutor 4 técnicos de Garantía Juvenil/Investigo (Junta Andalucía y Gobierno de España), 4 becas de colaboración, 6 alumnos de prácticas extracurriculares y 3 alumnos en práctica de grados superiores de FP.
2015-2019: Director de Servicios Centrales de Apoyo a la Investigación, SCAI, de la UJA.
Septiembre 2023-actualidad: Coordinador General de la Comisión de Ética de la UJA. 2003-actualidad: Miembro y/o coordinador de comisiones universitarias (Comité de Ética, Comisión de Garantía de Calidad de Máster, Comisión de Grados, etc).
Miembro de tribunales de tesis nacionales e internacionales.
Editor de número especial (Frontiers in Molecular Biosciences). Revisor revistas científicas (MCB, BBA GRM, etc).
Revisor proyectos MINECO y Ministerio de investigación de Polonia y Francia.
Coordinador 5 proyectos de Infraestructura científica: MINECO 2016; Ministerio de Ciencia en Innovación 2018; Junta de Andalucía 2017.

Parte C. MÉRITOS MÁS RELEVANTES (los 10 últimos años)

C.1. Publicaciones (más relevantes-10 últimos años)

1. Gutiérrez-Santiago, F., Martínez-Fernández, V., F. Garrido-Godino, Colino-Palomino, C. Clemente-Banco, A., Conesa, C., Acker, J. and **Navarro, F.**, 2024. Maf1 phosphorylation is regulated through the action of prefoldin-like Bud27 on PP4 phosphatase in *Saccharomyces cerevisiae*. *NAR*, doi:10.1093/nar/gkae414.
2. Garrido-Godino, A.I., Gupta, I., Pelechano, V. and **Navarro, F.**, (2024). RNA Pol II Assembly Affects ncRNA Expression. *Int. J. Mol. Sci.*, 25, 507. doi:10.3390/ijms25010507.
3. Cuevas-Bermudez, A., Martínez-Fernández, V., Garrido-Godino, and **Navarro, F.** (11/11) (2023). The association of the RSC remodeler complex with chromatin is influenced by the prefoldin-like Bud27 and determines nucleosome positioning and polyadenylation sites usage in *Saccharomyces cerevisiae*. *Biochimica et biophysica acta. Gene regulatory mechanisms*, 194995. doi: 10.1016/j.bbagr.2023.194995.
4. Garrido-Godino A.I., Cuevas-Bermúdez A., Gutiérrez-Santiago F., Mota-Trujillo M.C. and **Navarro F** (2022) The Association of Rpb4 with RNA Polymerase II Depends on CTD Ser5P Phosphatase Rtr1 and Influences mRNA Decay in *Saccharomyces cerevisiae*. *Int. J. Mol. Sci.*, 23, 2002. doi.org/10.3390/ijms23042002.
5. Garrido-Godino, A.I., Gupta, I., Gutiérrez-Santiago, F and **Navarro, F.** (9/9)(2020) Rpb4 and Puf3 imprint and post-transcriptionally control the stability of a common set of mRNAs in yeast. *RNA Biology*; doi: 10.1080/15476286.2020.1839229.
6. V. Martínez-Fernández, A. Cuevas-Bermúdez, F. Gutiérrez-Santiago... **F. Navarro** (10/10) (2020). Prefoldin-like Bud27 influences the transcription of ribosomal components and ribosome biogenesis in *Saccharomyces cerevisiae*. *RNA*. doi: 10.1261/rna.075507.120.
7. Begley, V.; Corzo, D.; Jordán-Pla, A... Chavez, S. (8/11) (2019). The mRNA degradation factor Xrn1 regulates transcription elongation in parallel to Ccr4. *NAR*, doi:10.1093/nar/gkz660.
8. V. Martínez-Fernández, A.I. Garrido-Godino, M.C. Mirón-García, V. Begley, A. Fernández-Pévida, J. de la Cruz, S. Chávez, and **F. Navarro** (2017). Rpb5 modulates the RNA polymerase II transition from initiation to elongation by influencing Spt5 association and backtracking. *Biochimica et biophysica acta. Gene regulatory mechanisms*, 1861(1):1-13. doi: 10.1016/j.bbagr.2017.11.002. *Seleccionado para BBA Collection on "**Transcription Machinery: All Things Considered**", 2020.
9. Garrido-Godino AI, Garcia-Lopez MC, Garcia-Martinez J, Pelechano V, Medina DA, Perez-Ortin JE, **Navarro F** (2016). Rpb1 foot mutations demonstrate a major role of Rpb4 in mRNA stability during stress situations in yeast. *Biochim Biophys Acta Gene regulatory mechanisms*, 1859: 731-743. doi: 10.1016/j.bbagr.2016.03.008.

10. Miron-García, M.C.; Garrido-Godino, A.; Martínez-Fernández, V.... **Navarro, F.** (9/9) (2014). The yeast prefoldin-like URI-orthologue Bud27 associates with the RSC nucleosome remodeler and modulates transcription. *NAR*, 42: 9666-9676.

11. P. Allepuz-Fuster, V. Martínez-Fernández, A. I. Garrido-Godino, S. Alonso-Aguado, S.D. Hanes, **F. Navarro** and O. Calvo (2014) Rpb4/7 facilitates RNA polymerase II CTD dephosphorylation. *NAR*, 42(22):13674-88.doi: 10.1093/nar/gku1227.

C.2. Congresos (*Internacionales; más relevantes*)

1. Garrido-Godino, A.I.; Pérez-Fernández, J.; **Navarro, F.** Prefoldin-like Bud27 influences RNA pol III transcription in *Saccharomyces cerevisiae* by acting on the repressor Maf1 and on the transcriptional complex. Oddpols 2023: 29/05/2023 - 02/06/2023. Jaén, España. **CHARLA.**

2. Garrido-Godino, A. I.; Martín-Expósito, M.; Gutiérrez-Santiago, **F.**; **Navarro, F.** The association of Rpb4 with RNA polymerase II depends on CTD Ser5P phosphatase Rtr1 and influences mRNA decay in *Saccharomyces cerevisiae*. Gene Transcription In Yeast. 25/06/2022 - 30/06/2022. Sant Feliu de Guixols, España

3. Gutiérrez, F.; Garrido-Godino, A.I.; Martín-Expósito, M.; Pérez-Fernández, J.; **Navarro, F.** Bud27 and its role in RNA pol III transcription. OddPols 2021. Mayo 2021. Denver, US. **CHARLA.**

4. A. Cuevas-Bermudez, A.I. Garrido-Godino, F. Gutiérrez-Santiago, R. Oya and **F. Navarro.** A novel yeast chromatin-enriched fractions purification approach, yChEFs, for chromatin-associated protein analysis. RNA-dependent chromatin-associated proteome analysis from *Saccharomyces cerevisiae*. **The 44 FEBS Congress.** 6-11 July 2019. Cracovia. Poland. **CHARLA**

5. A.I. Garrido-Godino, I. Gupta, A. Martínez-Padilla, M.C. Mota-Trujillo, A. Alekseenko, A. Cuevas-Bermúdez, F. Gutiérrez-Santiago, V. Pelechano and **F. Navarro.** Rpb4 and Puf3 interact to control mRNA imprinting. EMBO conference Series "Gene transcription in yeast: From global analysis to single cell". 9-14 Junio 2018. Sant Feliu de Guixols, España.

6. V. Martínez-Fernández, A.I. Garrido-Godino, A. Cuevas-Bermúdez, R. Oya, C. Cobo-Huesa and **F. Navarro.** Bud27 influences RNA pol II, RSC remodeler complex and histone H3 recruitment to the chromatin. Workshop "Current Trends in Biomedicine": Chaperones in the maintenance of cellular proteostasis. 17-19 October 2016. Baeza, España. **CHARLA.**

7. A.I. Garrido-Godino, M.C. García-López, J. García-Martínez, V. Pelechano, D. Medina, V. Martínez-Fernández, A. Cuevas, J.E. Pérez-Ortín, **F. Navarro.** Rpb1 foot mutations demonstrate a major role of Rpb4 in mRNA stability during stress situations in yeast. EMBO conference Series "Gene transcription in yeast". 11-16 Junio 2016. Sant Feliu de Guixols, España

8. **Navarro F.**, Garrido-Godino A.I., Martínez-Fernández V., Cuevas-Bermúdez A., Pelechano V., García-Martínez J., Medina D.A., Pérez-Ortín J.E. *RPB1* foot mutations demonstrate that post-transcriptional regulation depending on Rpb4 plays a major role controlling the environmental stress response in *Saccharomyces cerevisiae*. 40Th FEBS Congress. 4-10 julio 2015. Berlín, Germany. **CHARLA**

9. Garrido-Godino AI, Martínez-Fernández V, Gupta I, Pelechano V, Steinmetz L and **Navarro F.** Genome-wide analysis of Rpb4 association to mRNAs by isRIP-Seq. EMBO conference Series "Gene Transcription in Yeast". 14-19 Junio 2014. Sant Feliu de Guixols, España

C.3. Proyectos

1-Homeostasia del RNA en células eucariotas: control de la transcripción global durante el ciclo celular y papel de la prefoldina-like Bud27. Ministerio de Ciencia e Innovación (PID2020-112853GB-C33). **Francisco Navarro** (UJA). Desde 1-09-2021 (3 años). 120.000 €.

2-Contribución de la cochaperona prefoldin-like Bud27 a la formación de los complejos transcripcionales de la RNA polimerasa III, a su actividad transcripcional y a la composición proteica de la cromatina en *Saccharomyces cerevisiae*. Consejería De Transformación Económica, Industria, Conocimiento y Universidades. Junta de Andalucía (Ref PY20_00792). **Francisco Navarro** (U. JAÉN). Desde 10-2021 hasta 31-03-2023. 60.000 €.

3- Influencia de la prefoldina-like URI/Bud27 en la expresión y en los niveles intracelulares de tRNA y su correlación con el cáncer. Junta de Andalucía-UJA (Proyecto FEDER-UJA Ref 1260360). **Francisco Navarro** (U. JAÉN). Comienzo en 2020 hasta diciembre 2022. 108.169,61 €.

4- RED INVESTIGACIÓN: La vida del RNA desde la transcripción a la degradación. RED2018-102467-T. Ministerio de Ciencia, Innovación y Universidades. Comienzo 1-1-2020 (2 años).

5- Homeostasia y recambio molecular en el dogma central: aproximaciones proteómicas, respuesta al estrés y contribución del complejo prefoldin-like Bud27/URI. Ministerio de Economía y Competitividad (BFU2016-77728-C3-2-P). **Francisco Navarro** (U. JAÉN). 2017-2020. 169.400 €.

6- Regulación cruzada entre la transcripción y la estabilidad de los mRNAs: contribución de la RNA pol II. Ministerio de Economía y Competitividad (BFU2013-48643-C3-2-P). **Francisco Navarro** (U. JAÉN). 2014-2016. 150.000 € (y becario FPI asociado).

7- Generación de herramientas para purificación de complejos proteicos y de complejos proteína-DNA por sistemas acuosos de 2 fases (ATPSS). Junta de Andalucía, Proyectos de Excelencia (P10-CVI 6521). **Francisco Navarro** (U. JAÉN). 2011-2016. 208.247,00 € (y becario asociado).

C.4. Participación en actividades de transferencia de tecnología/conocimiento y explotación de resultados

1. Participación en la noche de los investigadores: 2022, 2023.

2. FOMENTO Y DIVULGACIÓN DE LA TRANSFERENCIA. Jornadas de transferencia del conocimiento con entidades externas. Plan de Apoyo a la Transferencia del Conocimiento, el Emprendimiento y la Empleabilidad 2018-2019. UJA. 06-2018 / 12-2018. Investigador Responsable: Javier Gámez García

3. Biomed Meeting Point: a platform to connect clinicians and scientifics. PROTECCIÓN DE LA INNOVACIÓN (Acción 7); Plan de Apoyo a la Transferencia del Conocimiento, el Emprendimiento y la Empleabilidad. Año 2017. UJA. 02-2018 / 12-2018; Investigador Responsable: J. Nicolás Domínguez Macías.

4. Producción de anticuerpos policlonales monoespecíficos frente a factores de transcripción para su comercialización. Ayudas para la realización de prototipos y experiencias piloto patentables con cargo al Plan de Apoyo a la Investigación, Desarrollo Tecnológico e Innovación de la UJA para el bienio 2014-2015 (R5/20/2016). 2016-2017. Responsable: **Francisco Navarro**.

5. Protocolo de colaboración entre la Diputación provincial de Jaén y la UJA, para la realización del proyecto "secuencia del genoma del olivo". 2015-2016. Responsable: Francisco Luque Vázquez (**Francisco Navarro**—Miembro del equipo). 200.000 €.

6. Identificación de variantes génicas de recuperación de la espermiogénesis postquimioterapia tras cáncer en varones. Contrato otri- Empresa IVI Sevilla- UJA. Diciembre 2014-julio 2015.

Formación

-7 tesis doctorales defendidas (todas internacionales; Sobresaliente cum laude). 4 en los últimos 10 años. 2 tesis en marcha. Financiación: 2 becas FPU, 1 FP1, 1 beca Junta de Andalucía, 2 beca UJA y 1 proyecto MEC.

-6 postdoctorales (Ministerios de España, Junta Andalucía, UJA, programa Margarita Salas). Mentor de Investigador Beatriz Galindo Senior.

-21 trabajos de fin de doctorado (DEA), TFMs y TFGs. Tutor 4 técnicos de Garantía Juvenil/Investigo (Junta Andalucía y Gobierno de España), 4 becas de colaboración, 6 alumnos de prácticas extracurriculares y 4 alumnos en práctica de grados superiores de FP.

Otros

-Organizador del Congreso internacional OddPols2023 (Jaén, mayo-junio 2023).

-Director y coordinador de cursos nacionales e internacionales (UNIA; UJA).

-Co-editor número especial en *Frontiers in Molecular Biosciences*, con publicación de e-book.

-Director de Servicios Centrales de Apoyo a la Investigación, UJA (2015-2019).

-Coordinador General y Secretario de la Comisión de Ética de la UJA (dese sept. 2023); secretario, miembro y/o coordinador de uno de sus comités (desde 2014 y hasta la actualidad).

-Responsable del Servicio de Biología Molecular de los Servicios Técnicos de Investigación de la UJA (2000 hasta la actualidad).

-Miembro comisiones universitarias (Comisión de Garantía de Calidad de Máster, Comisión de Grados para realización de memoria de Grado, etc).

- Coordinador 5 proyectos de Infraestructura científica (FEDER): MINECO 2016; Ministerio de Ciencia en Innovación 2018; Junta de Andalucía 2017.

-Revisor de proyectos de investigación nacionales e internacionales.

-Revisor de revistas científicas y proyectos nacionales e internacionales.

- Miembro de la SEG y de la SEBBM y red temática REDIL (Red Española de Levaduras).