



Parte A. DATOS PERSONALES

Fecha del CVA JUNIO 2024

Nombre y apellidos	Gabriel Gutiérrez Pozo		
DNI/NIE/pasaporte		Edad	
Núm. identificación del/de la investigador/a	WoS Researcher ID (*)	S-7646-2017	
	SCOPUS Author ID(*)	56865443700	
	Open Researcher and Contributor ID (ORCID) **	0000-0002-1354-2883	

(*) Al menos uno de los dos es obligatorio

A.1. Situación profesional actual

Organismo	Universidad de Sevilla		
Dpto./Centro	Genética		
Dirección			
Teléfono		correo electrónico	
Categoría profesional	Catedrático Universidad	Fecha inicio	2018
Espec. cód. UNESCO	2409		
Palabras clave	Evolución molecular-bioinformática-genética		

A.2. Formación académica (título, institución, fecha)

Licenciatura/Grado/Doctorado	Universidad	Año
Doctor Biología	Sevilla	1994

A.3. Indicadores generales de calidad de la producción científica

- Sexenios de investigación: 5.
- Tesis dirigidas: 1.
- Suma total citas: 1638.
- h-index: 23.
- Artículos totales Scopus: 58.

Parte B. RESUMEN LIBRE DEL CURRÍCULUM (máximo 3500 caracteres, incluyendo espacios en blanco)

Mi campo de estudio principal es la Evolución Molecular utilizando herramientas bioinformáticas aplicadas a la biología molecular. Tengo una larga experiencia en el análisis de datos de secuencias de ADN y proteínas, análisis masivo de datos, genómica etc. Soy experto en técnicas de reconstrucción filogenética y en general en el estudio de la evolución molecular.

Parte C. MÉRITOS MÁS RELEVANTES (últimos 5 años)

C.1. Publicaciones

Abel Cuevas-Bermúdez, Verónica Martínez-Fernández, Ana I. Garrido-Godino, Antonio Jordán-Pla, Xenia Peñate, Manuel Martín-Expósito, Gabriel Gutiérrez, Chhabi K. Govind, Sebastián Chávez, Vicent Pelechano, Francisco Navarro,

The association of the RSC remodeler complex with chromatin is influenced by the prefoldin-like Bud27 and determines nucleosome positioning and polyadenylation sites usage in *Saccharomyces cerevisiae*,
Biochimica et Biophysica Acta (BBA) -1867, Issue 1,
2024

Villalobo, E.; Gutiérrez, G.; Villalobo, A.
Calmodulin in *Paramecium*: Focus on Genomic Data.
Microorganisms 10, 1915.
2022



Sanchez-Barrionuevo, Leyre; Mateos, Jesus; Fernandez-Puente, Patricia; Begines, Paloma; Fernandez-Bolanos, Jose G; Gutierrez, Gabriel; Canovas, David ; Mellado, Encarnacion. Identification of an acetyl esterase in the supernatant of the environmental strain *Bacillus* sp. HR21-6.

BIOCHIMIE 198,48-59.

2022

Cea-Sánchez S, Corrochano-Luque M, Gutiérrez G, Glass NL, Cánovas D, Corrochano LM. Transcriptional Regulation by the Velvet Protein VE-1 during Asexual Development in the Fungus *Neurospora crassa*. *mBio* 13,4.

2022

Escobar-Niño, Almudena and Sánchez-Barrionuevo, Leyre and Torres-Torres, José Miguel and Clemente, Rafael and Gutiérrez, Gabriel and Mellado, Encarnación and Cánovas, David An *arsRB* resistance operon confers tolerance to arsenite in the environmental isolate *Terribacillus* sp. AE2B 122

FEMS MICROBIOLOGY ECOLOGY

2021

Díez-Hermano, Sergio and Ganfornina, Maria D. and Skerra, Arne and Gutiérrez, Gabriel and Sánchez, Diego

An evolutionary perspective of the lipocalin protein family

FRONTIERS IN PHYSIOLOGY

2021

Prados-Carvajal, Rosario and Rodríguez-Real, Guillermo and Gutiérrez-Pozo, Gabriel and Huertas, Pablo

CtlIP -mediated alternative mRNA splicing finetunes the DNA damage response

RNA-A PUBLICATION OF THE RNA SOCIETY

2021

Pardo-Medina, Javier and Gutiérrez, Gabriel and Limón, M. Carmen and Ávalos, Javier Impact of the White Collar Photoreceptor *WcoA* on the *Fusarium fujikuroi* Transcriptome

FRONTIERS IN MICROBIOLOGY

2021

Pardo-Medina, Javier and Gutiérrez, Gabriel and Limón, M. Carmen and Ávalos, Javier The *carP* lncRNA Is a *carS*-related regulatory element with broad effects on the *Fusarium fujikuroi* transcriptome

Non-Coding RNA

2021

Martín-Villanueva, Sara and Gutiérrez, Gabriel and Kressler, Dieter and Cruz, Jesús de la Ubiquitin and ubiquitin-like proteins and domains in ribosome production and function: chance or necessity?

INTERNATIONAL JOURNAL OF MOLECULAR SCIENCES

2021

Begley, Victoria and Jordán-Pla, Antonio and Peñate, Xenia and Garrido-Godino, Ana I. and Challal, Drice and Cuevas-Bermúdez, Abel and Mitjavila, Adrià and Barucco, Mara and



Gutiérrez, Gabriel and Singh, Abhyudai and Alepuz, Paula and Navarro, Francisco and Libri, Domenico and Pérez-Ortín, José E. and Chávez, Sebastián
Xrn1 influence on gene transcription results from the combination of general effects on elongating RNA pol II and gene-specific chromatin configuration
RNA BIOLOGY
2021

Parra-Rivero, Obdulia and Pardo-Medina, Javier and Gutiérrez, Gabriel and Limón, M. Carmen and Ávalos, Javier
A novel lncRNA as a positive regulator of carotenoid biosynthesis in *Fusarium*
SCIENTIFIC REPORTS
2020

Sánchez-Romero, María A. and Rodríguez Olivenza, David and Gutiérrez, Gabriel and Casadesús, Josep
Contribution of DNA adenine methylation to gene expression heterogeneity in *Salmonella enterica*
NUCLEIC ACIDS RESEARCH
2020

Diez-Hermano, Sergio and Mejias, Andres and Sanchez, Diego and Gutierrez, Gabriel and Ganfornina, Maria D.
Control of the neuroprotective Lipocalin Apolipoprotein D expression by alternative promoter regions and differentially expressed mRNA 5' UTR variants
PLOS ONE
2020

Tagua, Víctor G. and Navarro, Eusebio and Gutiérrez, Gabriel and Garre, Victoriano and Corrochano, Luis M.
Light regulates a *Phycomyces blakesleeenanus* gene family similar to the carotenogenic repressor gene of *Mucor circinelloides*
FUNGAL BIOLOGY
2020

Navarro, Eusebio and Niemann, Nils and Kock, Dennis and Dadaeva, Tamila and Gutiérrez, Gabriel and Engelsdorf, Timo and Kiontke, Stephan and Corrochano, Luis M. and Batschauer, Alfred and Garre, Victoriano
The DASH-type Cryptochrome from the Fungus *Mucor circinelloides* Is a Canonical CPD-Photolyase
CURRENT BIOLOGY
2020

C.2. Proyectos (últimos 5 años)

Regulación transcripcional del desarrollo sexual y la fertilidad por las proteínas velvet en el hongo *Neurospora crassa* (PID2021-128001OB-I00 - Equipo de Investigación)



Nuevas estrategias basadas en la traducción para la optimización de una economía circular basada en hongos (TED2021-129601B-I00 - Equipo de Investigación)

Regulación de la transcripción por la luz: el mecanismo de la fotoadaptación en hongos (P20_00622 - Equipo de Investigación)

Regulación de la Degradación, Transporte al Núcleo y Formación de Complejos de Ve-1 Durante el Desarrollo y la Biosíntesis de Carotenoides en Neurospora Crassa (RTI2018-098636-B-I00 - Equipo de Investigación)

C.3. Contratos, méritos tecnológicos o de transferencia

Contrato Ramón y Cajal 2002