

CURRICULUM VITAE

Fecha del CV: 12/06/2025

1. DATOS PERSONALES

1.1. DATOS IDENTIFICATIVOS

APELLIDOS GUTIERREZ POZO		NOMBRE GABRIEL	
DNI		FECHA DE NACIMIENTO	
LOCALIDAD	PROVINCIA	CÓDIGO POSTAL	
TELÉFONO		e-mail	

1.2. SITUACIÓN PROFESIONAL ACTUAL

PUESTO CATEDRATICO UNIVERSIDAD	FECHA DE INICIO NOV 2018
ORGANISMO UNIVERSIDAD DE SEVILLA	
CENTRO FACULTAD BIOLOGIA	
DPTO/SERVICIO/SECCIÓN/UGC/ GENETICA	
PAÍS ESPAÑA	PROVINCIA SEVILLA
SITUACIÓN LABORAL PLANTILLA	
DEDICACIÓN (A tiempo completo o A tiempo parcial) <i>COMPLETO</i>	

1.3. ACTIVIDADES ANTERIORES DE CARÁCTER CIENTÍFICO O PROFESIONAL/

PUESTO Y SITUACIÓN LABORAL	INSTITUCIÓN/ENTIDAD FINANCIADORA	FECHA
PROFESOR TITULAR UNIVERSIDAD	U. DE SEVILLA	2007-2018
PROFESOR CONTRATDO DOCTOR	U.DE SEVILLA	2006-2007
CONTRATADO RAMON Y CAJAL	U.PABLO OLAVIDE/U.DE SEVILLA	2003-2006

1.4. FORMACIÓN ACADÉMICA

GRADO/MÁSTER/TESIS	CENTRO	FECHA
DOCTOR BIOLOGIA	U. DESEVILLA	1994

2. RESUMEN DEL CV

Profesional con más de 30 años de experiencia en bioinformática, genómica y evolución molecular, especializado en el análisis de datos genómicos de alto rendimiento y la integración de herramientas computacionales para resolver problemas biológicos complejos. Con un sólido enfoque en la evolución molecular de organismos, he participado en proyectos interdisciplinarios que combinan genética, biología computacional y análisis estadístico para entender patrones evolutivos, diversidad genética y epigenética. He trabajado con grandes bases de datos genómicos y transcriptómicos, implementando algoritmos para la secuenciación de

nueva generación (NGS), alineamiento de secuencias, análisis de variantes genéticas y la predicción de estructuras proteicas. Poseo una amplia experiencia en el uso de Linux y de lenguajes de programación como Perl y otros recursos de software de bioinformática. Mi trayectoria incluye colaboraciones con equipos multidisciplinares en proyectos de investigación en genética evolutiva, biología de poblaciones, genómica, metagenómica y epigenética. Además, tengo un compromiso continuo con la docencia y formación de nuevos profesionales en el campo de la bioinformática. Soy catedrático del departamento de Genética de la Universidad de Sevilla desde 2018.

3. LISTADO DE APORTACIONES MÁS RELEVANTES (10 últimos años)

3.1. PUBLICACIONES MÁS IMPORTANTES EN LIBROS Y REVISTAS CON “PEER REVIEW” Y CONFERENCIAS

Cea-Sanchez, Sara et al.
2024. VE-1 regulation of MAPK signaling controls sexual development in *Neurospora crassa* ..
MBIO. 15 (10).
DOI: 10.1128/mbio.01505-22

Lax, Carlos et al.
2024. Symmetric and asymmetric DNA N6-adenine methylation regulates different biological responses in Mucorales.
NATURE COMMUNICATIONS. 15 (1).
DOI: 10.1038/s41467-024-50365-2

Cea-Sánchez, Sara et al.
2022. Transcriptional regulation by the velvet protein VE-1 during asexual development in the fungus *neurospora crassa*..
MBIO. 13 (4). e0150522.
DOI: 10.1128/mbio.01505-22

Diez-Hermano, Sergio et al.
2020. Control of the neuroprotective Lipocalin Apolipoprotein D expression by alternative promoter regions and differentially expressed mRNA 5' UTR variants.
PLOS ONE. 15 (6).
DOI: 10.1371/journal.pone.0234857

Sánchez-Romero, María A. et al.
2020. Contribution of DNA adenine methylation to gene expression heterogeneity in *Salmonella enterica*.
NUCLEIC ACIDS RESEARCH. 48 (21). 11857-11867.
DOI: 10.1093/nar/gkaa730

Gutiérrez, Gabriel et al.
2017. Subtracting the sequence bias from partially digested MNase-seq data reveals a general contribution of TFIIS to nucleosome positioning.
Epigenetics & Chromatin. 10 (1).
DOI: 10.1186/s13072-017-0165-x

Corrochano, Luis M. et al.
2016. Expansion of Signal Transduction Pathways in Fungi by Extensive Genome Duplication.

CURRENT BIOLOGY. 26 (12). 1577-1584.
DOI: 10.1016/j.cub.2016.04.038

Tagua, Victor G. et al.
2015. Fungal cryptochrome with DNA repair activity reveals an early stage in cryptochrome evolution.
PROCEEDINGS OF THE NATIONAL ACADEMY OF SCIENCES OF THE UNITED STATES OF AMERICA. 112 (49). 15130-15135.
DOI: 10.1073/pnas.1514637112

Jimeno-González, Silvia et al.
2015. Defective histone supply causes changes in RNA polymerase II elongation rate and cotranscriptional pre-mRNA splicing.
PROCEEDINGS OF THE NATIONAL ACADEMY OF SCIENCES OF THE UNITED STATES OF AMERICA. 112 (48). 14840-14845.
DOI: 10.1073/pnas.1506760112

Muñoz-Galván, Sandra et al.
2015. MAP17 (PDZKIP1) Expression Determines Sensitivity to the Proteasomal Inhibitor Bortezomib by Preventing Cytoprotective Autophagy and NF kappa B Activation in Breast Cancer.
MOLECULAR CANCER THERAPEUTICS. 14 (6). 1454-1465.
DOI: 10.1158/1535-7163.MCT-14-1053

3.2. CONTRIBUCIONES DE LA ACTIVIDAD INVESTIGADORA AL DESARROLLO CLÍNICO, ASISTENCIAL Y/O TECNOLÓGICO DEL SISTEMA SANITARIO

3.3. PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN EN LOS QUE HA PARTICIPADO

01/12/2022 31/08/2025 Investigador/a Nuevas estrategias basadas en la traducción para la optimización de una economía circular basada en hongos (TED2021-129601B-I00) Ministerio de Ciencia e Innovación (Nacional) 166.750,00 €

01/01/2016 30/06/2019 Investigador/a La Regulación del Regulador: Estabilidad y Localización de Velvet Durante la Conidiación y la Biosíntesis de Carotenoides en Neurospora (BIO2015-67148-R) Ministerio de Economía y Competitividad (Nacional) 229.900,00 €

05/10/2021 31/03/2023 Investigador/a Regulación de la transcripción por la luz: el mecanismo de la fotoadaptación en hongos (P20_00622) Consejería de Economía, Conocimiento, Empresas y Universidad (Autonómico) 90.000,00 €

01/09/2022 28/02/2026 Investigador/a Regulación transcripcional del desarrollo sexual y la fertilidad por las proteínas velvet en el hongo Neurospora crassa (PID2021-128001OB-I00) Ministerio de Ciencia e Innovación (Nacional) 169.400,00 €

01/01/2014 31/12/2017 Investigador/a Conflicto y Separación de Sexos: Efectos de la Hercogamia en el Sistema de Reproducción de Plantas Hermafroditas (CGL2013-45037-P) Ministerio de Economía y Competitividad (Nacional) 302.500,00 €

01/01/2019 30/09/2022 Investigador/a Regulación de la Degradación, Transporte al Núcleo y Formación de Complejos de Ve-1 Durante el Desarrollo y la Biosíntesis de Carotenoides en Neurospora Crassa (RTI2018-098636-B-I00) Ministerio de Ciencia, Innovación y Universidades (Nacional) 157.300,00 €

01/09/2024 31/12/2027 Investigador/a Mecanismos de control global de la expresión del genoma: repression en proliferación celular y activación por prefoldina (PID2023-148037NB-C21) Ministerio de Ciencia, Innovación y Universidades (Nacional) 292.500,00 €

3.4. OTRAS APORTACIONES RELEVANTES

Indique la participación en procesos de evaluación científica de organismos oficiales y/o de revistas científicas indexadas en los Journal Citation Reports del ISI Web of Science, la participación en CIBER, RETICS y grupos PAIDI financiados, los premios de investigación recibidos y las tesis doctorales dirigidas, así como cualquier otro mérito que considere relevante.

- Incentivo al Grupo de Investigación BIO-162 ([2011/BIO-162](#) - Investigador)
- Ayuda a la Consolidación del Grupo de Investigación BIO-162 ([2009/BIO-162](#) - Investigador)
- Ayuda a la Consolidación del Grupo de Investigación BIO-162 ([2008/BIO-162](#) - Investigador)
- Ayuda a la Consolidación del Grupo de Investigación BIO-162 ([2007/BIO-162](#) - Investigador)
- Secuenciación del genoma del hongo phycoyces blakesleeanus: gestión del proyecto y anotación manual del genoma ([BIO2005-25029-E](#) - Contratado)
- Ayuda a la Consolidación del Grupo de Investigación CVI-162 ([2005/CVI-162](#) - Investigador)

Andrés Mejías. Caracterización de las UTRs 5' y 3' de las lipocalinas de mamífero. Estudios predictivos sobre su papel en la regulación postranscripcional. Tesis Doctoral. 2016