

| | | | |
|--------------------------------------|---|----------------------|------------|
| Parte A. DATOS PERSONALES | | Fecha del CVA | 31/08/2024 |
| Nombre y apellidos | Carmen Rosario Beuzón López | | |
| Núm. identificación del investigador | Researcher ID | G-7302-2011 | |
| | Scopus ID | 6701792837 | |
| | Código Orcid | 0000-0002-6888-3845 | |
| URL Web | https://www.ihsm.uma-csic.es/investigadores/16 ; http://type3secretionlab.es/ | | |

A.1. Situación profesional actual

A.2. Formación académica (título, institución, fecha)

| Licenciatura/Grado/Doctorado | Universidad | Año |
|------------------------------|------------------------|------|
| Licenciada en Biología | Universidad de Sevilla | 1991 |
| Doctorado en Biología | Universidad de Sevilla | 1996 |

A.3. Indicadores generales de calidad de la producción científica (véanse instrucciones)

Nº Sexenios: 5 (último sexenio concedido 2015-2020)
 Nº Tesis dirigidas: 9 (6 últimos 10 años 2014-presente) + 4 en proceso
 Nº Artículos ISI 66
 Scopus: Nº Citas: 3690: H=29
 ResearchGate: Nº Citas: 4071: H=33
 Capítulos de libro=5

Parte B. RESUMEN LIBRE DEL CURRÍCULUM (máximo 3500 caracteres, incluyendo espacios en blanco)

Realicé mi Tesis Doctoral regulación de la transposición en Salmonella, en el Depto. de Genética de la Universidad de Sevilla, con Josep Casadesús. En enero de 1998, me uní al grupo del Prof. David Holden en *Imperial College London*, con una EMBO *Long-Term Fellowship* (hasta 31/12/1999), y un contrato MRC (Medical Research Council) (hasta 1/05/2002) trabajando en los mecanismos moleculares de la patogénesis en Salmonella. Me incorporé al Área de Genética de la Universidad de Málaga como Profesor Asociado (6 meses 2002) y un Contrato RyC (BFU, 2003-2007). He sido Profesora Contratada Doctora (2007-2010), Profesora Titular (2010-2017) y Catedrática desde octubre de 2017. En la UMA, además de las tareas de docencia, inicié una línea investigación centrada en los mecanismos moleculares de la virulencia en el patógeno vegetal *Pseudomonas syringae*. Como IP he recibido financiación ininterrumpida del Plan Nacional en el Área de Biotecnología desde 2003 a la actualidad, (BIO2003-03262, BIO2006-00673, BIO2009-11516, BIO2012-35641, BIO2015-64391R; RTI2018-095069-B-I00; PID2021-127245OB-I00), y del Programa de Proyectos de Excelencia de la Junta de Andalucía, (P07-CVI-2605; P18-RT-2398) y Programa FEDER-Junta (UMA20-FEDERJA021), y como investigadora participante (P06-CVI-02088 y P05-AGR-876). También abrí una línea de trabajo más aplicada, en olivo, con el Contrato con Genoma España (OLEAGEN 8.06-5.72.3022), siendo IP de un subproyecto, y dedicada al “Desarrollo de herramientas genómicas en olivo y su aplicación al análisis de la calidad del fruto y del aceite, y caracteres de interés agronómico”. He sido o soy miembro de 3 Acciones COST: COST-SUSTAIN (FA1298), COST-CAMo (FA1405); y COST-HUPLANT (CA16110). Los resultados del periodo UMA han dado lugar a numerosos artículos ya publicados en revistas de impacto en el área, destacando varios publicados en revistas dentro del 5% y del 10% de mayor impacto del área, y a 9 Tesis Doctorales, seis de las cuales han sido Mención Europea o Internacional y 3 receptoras del Premio Extraordinario de Doctorado.

Parte C. MÉRITOS MÁS RELEVANTES (ordenados por tipología)

C.1. Publicaciones (seleccionadas últimos 10 años/desde 2014)

-López-Márquez D, Del-Espino A, Ruiz-Albert J, Bejarano ER, Brodersen P, Beuzón CR. (2023) Regulation of plant immunity via small RNA-mediated control of NLR expression. *J Exp Bot.* 14:erad268. doi: 10.1093/jxb/erad268

- Rufián JS, Rueda-Blanco J, **Beuzón CR**, Ruiz-Albert* (2023) Suppression of NLR-mediated plant immune detection by bacterial pathogens. *J Exp Bot* 10:erad246. doi: 10.1093/jxb/erad246
- Rufián JS*, López-Pagán N, Ruiz-Albert J, **Beuzón CR*** (2022) Single-Cell Analysis of the Expression of *Pseudomonas syringae* Genes within the Plant Tissue. *J Vis Exp* doi: 10.3791/64614.
- Rufián JS, Ruiz-Albert J*, **Beuzón CR*** (2022) Fluorescently labeled *Pseudomonas syringae* DC3000 and 1449b wild-type strains constitutively expressing either eGFP, eCFP, or dsRED. *MicroPubl Biol*. doi: 10.17912/micropub.biology.000595.
- López-Márquez D, Del Espino A, López-Pagán N, Rodríguez-Negrete EA, Rubio-Somoza I, Ruiz-Albert J, Bejarano ER*, **Beuzón CR*** (2021) MiR825-5p targets TIR-NBS-LRR gene *MIST1* and downregulates basal immunity against *Pseudomonas syringae* in *Arabidopsis*. *J Exp Bot*. doi: 10.1093/jxb/erab354
- Rufián JS, Rueda-Blanco J, López-Márquez D, Macho AP, **Beuzón CR**, Ruiz-Albert J.* (2021) The bacterial effector HopZ1a acetylates MKK7 to suppress plant immunity. *New Phytol*. doi: 10.1111/nph.17442
- Rufián J, Elmore J, Bejarano ER, **Beuzón CR**, Coaker G*. (2021) [ER bodies are induced by *Pseudomonas syringae* and negatively regulate immunity](#). *Mol Plant Microbe Interact*. doi: 10.1094/MPMI-11-20-0330-SC.
- López-Márquez D, Del-Espino Ángel, Bejarano ER, **Beuzón CR***, Ruiz-Albert J* (2020) Protocol: low cost fast and efficient generation of molecular tools for small RNA analysis. *Plant Methods*. doi: 10.1186/s13007-020-00581-PLME-D-19-00303R2.
- Jiménez-Ruiz J, Ramírez-Tejero JA, Fernández-Pozo N, Leyva-Pérez MO, Yan H, De la Rosa R, Belaj A, Montes E, Rodríguez-Ariza MO, Navarro F, Barroso JB, **Beuzón CR**, Valpuesta V, Bombarely A*, Luque F* (2020) Transposon activation is a major driver in the genome evolution of cultivated olive tree (*Olea europaea* L.). *Plant Genome*. 2020;e20010. <https://doi.org/10.1002/tpg2.20010>.
- Zarkani AA, López-Pagán N, Grimm M, Sánchez-Romero MA, Ruiz-Albert J, **Beuzón CR** Schikora A* (2020) Salmonella Heterogeneously Expresses Flagellin during Colonization of Plants. *Microorganisms* 8:815 doi:10.3390/microorganisms8060815
- Arce-Leal AP, Bautista R, Rodríguez-Negrete EA, Manzanilla-Ramírez MA, Velázquez-Monreal JJ, Santos-Cervantes ME, Méndez-Lozano J, **Beuzón CR**, Bejarano ER, Castillo AG, Claros MG, Leyva-López NE* (2020) Gene expression profile of Mexican lime trees in response to inoculation with *Candidatus Liberibacter asiaticus*. *Microorganisms* 7;8(4). pii: E528. doi: 10.3390/microorganisms8040528.
- Rufián JS, Rueda-Blanco J, **Beuzón CR***, Ruiz-Albert J* (2019) Protocol: an improved method to quantify activation of systemic acquired resistance (SAR). *Plant Methods* 15:16. doi: 10.1186/ s13007-019-0400-5)
- Calvo-Polanco M, Ruiz-Lozano JM, Azcón R, Molina S, **Beuzon CR**, García JL, Cantos M, Aroca R* (2019) Phenotypic and molecular traits determine the tolerance of olive trees to drought stress. *Plant Physiol Biochem*. 2019 139:521-527. doi:10.1016/j.plaphy.2019.04.017.
- Rufián JS, Lucía A, Rueda-Blanco J, Zumaquero A, Guevara CM, Ortiz-Martín I, Ruiz-Aldea G, Macho AP, **Beuzón CR***, Ruiz-Albert J* (2018) Suppression of HopZ effector-triggered plant immunity in a natural pathosystem. *Frontiers in Plant Science* 14:977. doi: 10.3389/fpls.2018.00977)
- Rufián JS, Macho AP, Corry DS, Mansfield JW, Ruiz-Albert J, Arnold DL, **Beuzón CR*** (2018) Confocal microscopy reveals in planta dynamic interactions between pathogenic, avirulent and non-pathogenic *Pseudomonas syringae* strains. *Molecular Plant Pathology*. doi: 10.1111/ mpp.12439.

-Charova SN, Gazi AD, Mylonas E, Pozidis C, Sabarit B, Anagnostou D, Psatha K, Aivaliotis M, **Beuzon CR**, Panopoulos NJ, Kokkinidis M* (2018) Migration of Type III Secretion System Transcriptional Regulators Links Gene Expression to Secretion. *mBio*. doi: 10.1128/mBio.01096-18

-Belaj A, de la Rosa R, Lorite IJ, Mariotti R, Cultrera NGM, **Beuzón CR**, González-Plaza JJ, Muñoz-Mérida A, Trelles O, Baldoni L (2018) Usefulness of a New Large Set of High Throughput EST-SNP Markers as a Tool for Olive Germplasm Collection Management. *Frontiers in Plant Science*. 21:1320. doi: 10.3389/fpls.2018.01320

-Rufián JS, López-Márquez D, López-Pagán N, Grant M, Ruiz-Albert J, **Beuzón CR*** (2018) Generating Chromosome-Located Transcriptional Fusions to Fluorescent Proteins for Single-Cell Gene Expression Analysis in *Pseudomonas syringae*. *Methods Mol Biol*. 1734:183-199. doi: 10.1007/978-1-4939-7604-1_15.

-Rufián JS, Sánchez-Romero M-A, López-Márquez D, Macho AP, Mansfield JW, Arnold DL, Ruiz-Albert J, Casadesús J, **Beuzón CR*** (2016) *Pseudomonas syringae* differentiates into phenotypically distinct subpopulations during colonization of a plant host. *Environmental microbiology*. doi: 10.1111/1462-2920.13497

-González-Plaza JJ, Ortiz-Martín I, Muñoz-Mérida A, García-López C, Sánchez-Sevilla JF, Luque F, Trelles O, Bejarano ER, De la Rosa R, Valpuesta V, **Beuzón CR*** (2016) Transcriptomic Analysis Using Olive Varieties and Breeding Progenies Identifies Candidate Genes Involved in Plant Architecture. *Frontiers in Plant Science*. 7:240. doi: 10.3389/fpls.2016.00240

-Calvo-Polanco M, Sánchez-Castro I, Cantos M, García JL, Azcón R, Ruiz-Lozano JM, **Beuzón CR**, Aroca R* (2016) Effects of different arbuscular mycorrhizal fungal backgrounds and soils on olive plants growth and water relation properties under well-watered and drought conditions. *Plant Cell Environ*. 39:2498-2514. doi: 10.1111/pce.12807

-Rosas-Díaz T, Macho AP, **Beuzón CR**, Lozano-Durán R, Bejarano ER*. (2016) The C2 Protein from the Geminivirus Tomato Yellow Leaf Curl Sardinia Virus Decreases Sensitivity to Jasmonates and Suppresses Jasmonate-Mediated Defences. *Plants* 15;5(1). pii: E8. doi: 10.3390/plants5010008

-Aussel L, **Beuzón CR**, Cascales E* (2016) Meeting report: Adaptation and communication of bacterial pathogens. *Virulence*. 18:481-90. doi: 10.1080/21505594.2016.1152441

-Macho AP, Rufián JS, Ruiz-Albert J, **Beuzón CR*** (2016) Competitive Index: Mixed Infection-Based Virulence Assays for Genetic Analysis in *Pseudomonas syringae*-Plant Interactions. *Methods Mol Biol*. 1363:209-17. doi: 10.1007/978-1-4939-3115-6_17.

-Rufián JS, Lucía A, Macho AP, Orozco-Navarrete B, Arroyo-Mateos MA, Bejarano ER, **Beuzón CR***, Ruiz-Albert J* (2015) Auto-acetylation on K289R is not essential for HopZ1a-mediated plant defence suppression. *Frontiers in Microbiology*. doi: 10.3389/fmicb.2015.00684

C.2. Proyectos (últimos 10 años)

1. *Título del proyecto*: Epigenética e individualidad bacteriana en poblaciones clonales de patógenos: mecanismos moleculares y valor adaptativo en plantas. Ministerio de Ciencia, Innovación y Universidades (PID2021-127245OB-I00)). Co-IPs Dra. Carmen R Beuzón y Dr. Javier Ruiz Albert. Universidad de Málaga. 1/09/2022-31/08/2025.

2. *Título del proyecto*: Regulación mediante silenciamiento génico de la ruta del ácido jasmónico durante la interacción con patógenos biotrófos. Convocatoria de Proyectos de UMA20-FEDERJA-021. IPs Carmen R Beuzón y Araceli Castillo. Universidad de Málaga. 1/07/2021-30/06/2023.

3. *Título del proyecto*: Identificación y Análisis de Genes de Salmonella Enterica Implicados en la Colonización de Plantas. Convocatoria de Proyectos de Excelencia, Junta de

Andalucía (P18-RT-2398). IP Carmen R Beuzón. Universidad de Málaga. 1/01/2020-31/12/2022.

4. *Título del proyecto:* Heterogeneidad fenotípica en patógenos bacterianos: mecanismos moleculares implicados y papel en la adaptación a la planta. Ministerio de Ciencia, Innovación y Universidades (RTI2018-095069-B-I00). Co-IPs Dra. Carmen R Beuzón y Dr. Javier Ruiz Albert. Universidad de Málaga. 1/01/2019-31/12/2021.

5. *Título del proyecto:* Nuevos mecanismos de adaptación en *Pseudomonas syringae*: supresión de defensa sistémica y formación de linajes bacterianos. MINECO (BIO2015-64391-R). Co-IPs Dra. Carmen R Beuzón y Dr. Javier Ruiz Albert. Universidad de Málaga. 1/01/2015-31/12/2018.

6. *Título del proyecto:* Supresión de la inmunidad disparada por efectores y su papel en la adaptación de *Pseudomonas syringae* al hospedador. MINECO (BIO2012-35641). IP Dra. Carmen R Beuzón. Universidad de Málaga. 1/01/2013-31/12/2015.

C.5 Pertenencia a Comites Internacionales

1. Pertenencia al Comité Internacional de *Pseudomonas syringae and related pathogens*. Desde Junio 2015.